

**ЭНТЕРОФЛОР® ДЕТИ**  
Результат исследования

ФИО:

ПОЛ:

ДАТА РОЖДЕНИЯ:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ВРАЧ:

**СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА**

Доля нормальной микробиоты в пределах нормы – **91.5%**. Общее количество бифидобактерий в пределах нормы – **7.6 Lg (ГЭ/г)\***. Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты в пределах нормы - **10**. Доля метаболически активных видов бифидобактерий в пределах нормы – **более 10%**. Представители *Lactobacillaceae* отсутствуют. Представители таксона *Bacteroidetes* присутствуют. Доля условно-патогенной микробиоты в пределах нормы – **8.5%**. Порядок *Enterobacterales* представлен *E.coli*. Дрожжевые грибы не выявлены.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом

**ПОКАЗАТЕЛЬ**

**РЕЗУЛЬТАТ**

**РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ**

**ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ**

**Общее количество бактерий (ОБМ)**

9.0\*

> 6.0

Lg (ГЭ/г)

**Нормальная микробиота**

доля

91.5

≥ 80

%

разнообразие, количество таксонов

10

≥ 10

шт

***Bifidobacterium spp.***

общее количество

7.6\*

> 5.6

Lg (ГЭ/г)

метаболически активные виды, доля

> 10

≥ 10

%

метаболически активные «детские» виды, доля\*\*

Не оценивается в данном возрасте

метаболически активные «детские» виды, разнообразие

Не оценивается в данном возрасте

***Lactobacillaceae*, количество**

-

> 0.0

Lg (ГЭ/г)

***Bacteroidetes*, наличие**

выявлено

выявлено

***Firmicutes/Bacteroidetes*, соотношение**

0.8

≥ 1.5

**Дрожжевые грибы, количество**

0.0\*

< 6.5

Lg (ГЭ/г)

**Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля**

8.5

< 20

%

**Маркеры патогенности и резистентности, наличие**

патогенные представители *Enterobacterales*

не выявлено

не выявлено

Lg (ГЭ/г)

***Clostridioides difficile***

-

< 3.9

Lg (ГЭ/г)

***tcdA, tcdB***

не выявлено

не выявлено

Lg (ГЭ/г)

***Staphylococcus aureus***

-

< 4.5

Lg (ГЭ/г)

***mecA***

не выявлено

не выявлено

Lg (ГЭ/г)

***Streptococcus agalactiae c srr2***

Не оценивается в данном возрасте

***Candida albicans***

не выявлено

не выявлено

Дата выполнения исследования:

Исследование выполнил \_\_\_\_\_ (ФИО)

\* приведены значения Lg X – означает  $10^X$

\*\* указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий



ФИО:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

## ПОКАЗАТЕЛЬ

	АБСОЛЮТНЫЙ, Ig (ГЭ/г кала)*	Референтный интервал	ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %	Референтный интервал
	Значение*		Значение	
Общее количество бактерий	9.0	> 6.0	91.5	80 - 100
<b>НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА</b>	<b>8.5</b>	<b>8.0 - 10.2</b>		
<b>Actinobacteria</b>				
Bifidobacterium spp	7.6	5.6 - 9.0	11.6	3.0 - 60.0
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля	4.8	5.8 - 7.1	> 10	≥ 10
Метаболически активные «детские» виды**	-		1.4	> 2
Bifidobacterium longum subsp. infantis	3.8		0.1	
Bifidobacterium longum subsp. longum				
Bifidobacterium bifidum				
Bifidobacterium breve	4.8	6.0 - 7.6	1.2	
Метаболически активные «взрослые» виды**	6.7		98.6	20 - 96
Bifidobacterium adolescentis				
Bifidobacterium catenulatum ssp	6.7		98.6	
Bifidobacterium animalis subsp. lactis	3.5		0.1	
Bifidobacterium dentium	-			
Coriobacteriia	7.4	6.5 - 8.8	7.3	0.0 - 16.0
<b>Firmicutes</b>				
Clostridium leptum gr	7.0	6.5 - 10.0	2.9	8.0 - 66.0
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	6.1	6.0 - 8.7	0.4	0.0 - 5.5
Faecalibacterium prausnitzii	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 15.0
Lachnospiraceae	7.9	7.5 - 10.0	23.2	9.0 - 65.0
Lactobacillaceae	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 5.0
Streptococcus spp	7.2	5.5 - 8.6	4.6	0.0 - 25.0
Lactococcus lactis	6.9	0.0 - 8.0	2.3	0.0 - 6.0
<b>Bacteroidetes</b>				
Alistipes spp	-	6.0 - 8.2	-	0.0 - 10.0
Bacteroides spp	8.1	5.9 - 8.8	36.8	0.0 - 35.0
Butyrimonas spp	-	3.6 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Parabacteroides spp	7.2	5.7 - 8.3	4.6	0.0 - 2.0
Prevotella spp	5.1	0.0 - 9.0	< 0.1	0.0 - 10.0
<b>Другие бактерии</b>				
Akkermansia muciniphila	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 4.0
Desulfovibrio spp	-	0.0 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Methanobrevibacter spp	-	0.0 - 6.0	-	0.0 - 1.0
<b>Разнообразие, количество таксонов:</b>	<b>10</b>	<b>≥ 10</b>		
<b>Соотношение Firmicutes/Bacteroidetes:</b>	<b>0.8</b>	<b>≥ 1.5</b>		
<b>УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)</b>	<b>7.5</b>	<b>6.3 - 8.7</b>	<b>8.5</b>	<b>0 - 20</b>
Clostridium difficile gr	5.1	4.7 - 7.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Clostridium perfringens gr	4.9	0.0 - 6.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Enterobacteriales	7.4	6.0 - 9.2	7.3	0.0 - 20.0
E.coli	7.0	5.5 - 8.2	2.9	0.0 - 10.0
Enterococcus spp	6.0	4.2 - 7.0	0.3	0.0 - 1.0
Erysipelotrichaceae	6.4	5.7 - 8.5	0.7	0.0 - 6.0
Fusobacteriaceae	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 1.0
Peptoniphilaceae	5.1	0.0 - 6.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Pseudomonas spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
<b>МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ</b>				
Clostridioides difficile	-	0.0 - 3.9	-	0.0 - 0.1
tcdA tcdB	-	0.0 - 4.5	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus aureus	-	0.0 - 4.4	-	0.0 - 0.1
mecA	-			
Streptococcus agalactiae	-			
srr2	-			
<b>ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ</b>				
Candida spp	-	0.0 - 6.5		
C.albicans	-	0.0		

\* приведены значения Ig X – означает  $10^X$ 

\*\* указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий