

ЭНТЕРОФЛОР® ДЕТИ
Результат исследования

ФИО: _____

ПОЛ: _____

ДАТА РОЖДЕНИЯ: _____

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА: _____

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА: _____

ВРАЧ: _____

СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА

Доля нормальной микробиоты в пределах нормы – **91.5%**.
Общее количество бифидобактерий в пределах нормы – **7.6 Lg (ГЭ/г)***. Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты в пределах нормы – **10**. Доля метаболически активных видов бифидобактерий в пределах нормы – **более 10%**. Представители *Lactobacillaceae* отсутствуют. Представители таксона *Bacteroidetes* присутствуют. Доля условно-патогенной микробиоты в пределах нормы – **8.5%**. Порядок *Enterobacteriales* представлен *E.coli*. Дрожжевые грибы не выявлены.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ	РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ	ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ
Общее количество бактерий (ОБМ)	9.0*	> 6.0	Lg (ГЭ/г)
Нормальная микробиота			
доля	91.5	≥ 80	%
разнообразие, количество таксонов	10	≥ 10	шт
<i>Bifidobacterium spp.</i>			
общее количество	7.6*	> 5.6	Lg (ГЭ/г)
метаболически активные виды, доля	> 10	≥ 10	%
метаболически активные «детские» виды, доля**	Не оценивается в данном возрасте		
метаболически активные «детские» виды, разнообразие	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Lactobacillaceae</i>, количество	-	> 0.0	Lg (ГЭ/г)
<i>Bacteroidetes</i>, наличие	выявлено	выявлено	
<i>Firmicutes/Bacteroidetes</i>, соотношение	0.8	≥ 1.5	
Дрожжевые грибы, количество	0.0*	< 6.5	Lg (ГЭ/г)
Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля	8.5	< 20	%
Маркеры патогенности и резистентности, наличие			
патогенные представители <i>Enterobacteriales</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Clostridioides difficile</i>	-	< 3.9	Lg (ГЭ/г)
<i>tcdA, tcdB</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Staphylococcus aureus</i>	-	< 4.5	Lg (ГЭ/г)
<i>mecA</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Streptococcus agalactiae c srr2</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Candida albicans</i>	не выявлено	не выявлено	

Дата выполнения исследования: _____

Исследование выполнил _____ (ФИО)

* приведены значения Lg X – означает 10^X

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий



ФИО:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

ПОКАЗАТЕЛЬ	АБСОЛЮТНЫЙ, Lg (ГЭ/г кала)*		ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %	
	Значение*	Референтный интервал	Значение	Референтный интервал
Общее количество бактерий	9.0	> 6.0		
НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА	8.5	8.0 - 10.2	91.5	80 - 100
Actinobacteria				
Bifidobacterium spp	7.6	5.6 - 9.0	11.6	3.0 - 60.0
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля			> 10	≥ 10
Метаболически активные «детские» виды**	4.8	5.8 - 7.1	1.4	> 2
Bifidobacterium longum subsp. infantis	-		-	
Bifidobacterium longum subsp. longum	3.8		0.1	
Bifidobacterium bifidum	-		-	
Bifidobacterium breve	4.8		1.2	
Метаболически активные «взрослые» виды**	6.7	6.0 - 7.6	98.6	20 - 96
Bifidobacterium adolescentis	-		-	
Bifidobacterium catenulatum ssp	6.7		98.6	
Bifidobacterium animalis subsp. lactis	3.5		0.1	
Bifidobacterium dentium	-		-	
Coriobacteriia	7.4	6.5 - 8.8	7.3	0.0 - 16.0
Firmicutes				
Clostridium leptum gr	7.0	6.5 - 10.0	2.9	8.0 - 66.0
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	6.1	6.0 - 8.7	0.4	0.0 - 5.5
Faecalibacterium prausnitzii	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 15.0
Lachnospiraceae	7.9	7.5 - 10.0	23.2	9.0 - 65.0
Lactobacillaceae	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 5.0
Streptococcus spp	7.2	5.5 - 8.6	4.6	0.0 - 25.0
Lactococcus lactis	6.9	0.0 - 8.0	2.3	0.0 - 6.0
Bacteroidetes				
Alistipes spp	-	6.0 - 8.2	-	0.0 - 10.0
Bacteroides spp	8.1	5.9 - 8.8	36.8	0.0 - 35.0
Butyrivibrio spp	-	3.6 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Parabacteroides spp	7.2	5.7 - 8.3	4.6	0.0 - 2.0
Prevotella spp	5.1	0.0 - 9.0	< 0.1	0.0 - 10.0
Другие бактерии				
Akkermansia muciniphila	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 4.0
Desulfovibrio spp	-	0.0 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Methanobrevibacter spp	-	0.0 - 6.0	-	0.0 - 1.0
Разнообразие, количество таксонов:	10	≥ 10		
Соотношение Firmicutes/Bacteroidetes:	0.8	≥ 1.5		
УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)	7.5	6.3 - 8.7	8.5	0 - 20
Clostridium difficile gr	5.1	4.7 - 7.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Clostridium perfringens gr	4.9	0.0 - 6.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Enterobacterales	7.4	6.0 - 9.2	7.3	0.0 - 20.0
E.coli	7.0	5.5 - 8.2	2.9	0.0 - 10.0
Enterococcus spp	6.0	4.2 - 7.0	0.3	0.0 - 1.0
Erysipelotrichaceae	6.4	5.7 - 8.5	0.7	0.0 - 6.0
Fusobacteriaceae	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 1.0
Peptoniphilaceae	5.1	0.0 - 6.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Pseudomonas spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ				
Clostridioides difficile	-	0.0 - 3.9	-	0.0 - 0.1
tcdA tcdB	-		-	
Staphylococcus aureus	-	0.0 - 4.5	-	0.0 - 0.1
mecA	-		-	
Streptococcus agalactiae	-	0.0 - 4.4	-	0.0 - 0.1
srr2	-		-	
ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ				
Candida spp	-	0.0 - 6.5		
C.albicans	-	0.0		

* приведены значения Lg X – означает 10^x

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий